|  |  |  |  |  |  |  |  |  |  |  |  |
| --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- |
| **Analyse** | **Type de prélèvement** | **Volume prélèvement requis** | **délai (TAT)** | **RES 1** | **RES 2** | **RES 3** | **RES 4** | **REM** | **REM back-up 1** | **REM back-up 2** | **Code remboursement** |
| **SECTEUR CYTOGENETIQUE CONSTITUTIONNELLE PRENATALE** |  |  |  |  |  |  |  |  |  |  |  |
| Recherche rapide aneuploïdies 13.18.21 par QF-PCR | LA | entre 15 et 25 ml | 4 jours | AD | EB |  |  | YS | ADL | NR | 565176 combo + 588674 |
|   | CVS | 10 à 15 fragments | 4 jours | AD | EB |  |  | YS | ADL | NR | 565176 combo + 588674 |
| Recherche rapide aneuploïdies 13.18.21 par FISH | sang fœtal sur hépa | minimum 1 ml | 4 jours | AD | PC |  |  | YS | ADL | NR | 565176 combo |
| FISH ( autre ) | LA | entre 15 et 25 ml | 1 semaine | AD | PC |  |  | YS | ADL | NR | 565176 combo + 588674 |
|   | CVS | 10 à 15 fragments | 1 semaine | AD | PC |  |  | YS | ADL | NR | 565176 combo + 588674 |
|   | sang fœtal sur hépa | minimum 1 ml | 1 semaine | AD | PC |  |  | YS | ADL | NR | 565176 combo |
|   | blastomères (DPI) |   | 24h | AD | PC |  |  | YS | ADL | NR | 565250 |
| Caryotype moléculaire sur cellules non-cultivées  | LA | entre 15 et 25 ml | 3 semaines  | AD | EB | PC |  | YS | ADL | NR | 565176 combo + 588674 |
|   | CVS | 10 à 15 fragments  | 3 semaines  | AD | EB | PC |  | YS | ADL | NR | 565176 combo + 588674 |
| Caryotype moléculaire  | sang de cordon | minimum 1 ml | 3 semaines  | AD | EB | PC |  | YS | ADL | NR | 565176 combo |
|   | FC |   | 2 MOIS | AD | EB | PC |  | YS | ADL | NR | 565176 combo |
| Diagnostic prénatal non-invasif (DPNI-NIPT) | sang sur tube STRECK | 5-10 ml | 5 jours | AD | EB |  |  | YS | ADL | NR | 565611 |
| **SECTEUR CYTOGENETIQUE CONSTITUTIONNELLE POSTNATALE** |  |  |  |  |  |  |  |  |  |  |  |
| Caryotype moléculaire urgent | sang sur EDTA | <1an: minimum 1 ml et >1an:5-10 ml | 3 semaines | AD | EB | LZ | PC | YS | ADL | NR | 565051 |
| Caryotype moléculaire non-urgent | sang sur EDTA | <1an: minimum 1 ml et >1an:5-10 ml | 2 MOIS | AD | EB | LZ | PC | YS | ADL | NR | 565051 |
|   | biopsie de peau | minimum 1 cm³ | 2 MOIS | AD | EB | LZ | PC | YS | ADL | NR | 565014 (+ 565294) |
| caryotype conventionnel urgent  | Sang sur hépa | <1an: minimum 1 ml et >1an:5-10 ml | 1 semaine | AD | LZ | PC |  | YS | ADL | NR | 565014 |
| caryotype conventionnel non-urgent | Sang sur hépa | <1an: minimum 1 ml et >1an:5-10 ml | 4 semaines | AD | LZ | PC |  | YS | ADL | NR | 565014 |
|   | biopsie de peau | minimum 1 cm³ | 4 semaines | AD | LZ | PC |  | YS | ADL | NR | 565014 + 565294 |
| FISH urgent | Sang sur hépa | <1an: minimum 1 ml et >1an:5-10 ml | 1 semaine | AD | PC |  |  | YS | ADL | NR | 565036 |
| FISH non-urgente | Sang sur hépa | <1an: minimum 1 ml et >1an:5-10 ml | 4 semaines | AD | PC |  |  | YS | ADL | NR | 565036 |
|   | biopsie de peau | minimum 1 cm³ | 4 semaines | AD | PC |  |  | YS | ADL | NR | 565014 + 565294 |
|  |  |  |  |  |  |  |  |  |  |  |  |

|  |  |  |  |  |  |  |  |  |  |  |
| --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- |
| **Analyse** | **Type de prélèvement** | **Volume prélèvement recommandé** | **délai (TAT)** | **RES 1** | **RES 2** | **RES 3** | **REM** | **REM back-up1** | **REM back-up 2** | **Code remboursement** |
| **SECTEUR CYTOGENETIQUE ACQUISE 1** |  |  |  |  |  |  |  |  |  |  |
| **caryotype conventionnel** - réalisé sur culture avec et/ou sans stimulation (facteurs de croissance myéloïde, IL2-CpG, Phytohémagglutinine)     | Sang sur héparine de sodium² | <1an: minimum 1 ml et >1an:5-10 ml | 1 semaine (urgent)3 semaines(non-urgent) | JL | CD | PC | ADL | YS | NR | 565073 / 565084565095 / 565106 |
| Moelle osseuse sur héparine de sodium² | minimum 3 ml |
| Liquide de ponction (ascite, liquide pleural, liquide céphalorachidien …) | pas de limite (en fonction de la cellularité) |
| Ganglion/masse/biopsie… avec milieu de transport (RPMI 1640) | minimum 1 cm³ |
| **FISH (Hybridation *in situ*)** - réalisé sur culture avec et/ou sans stimulation (facteurs de croissance myéloïde, IL2-CpG, Phytohémagglutinine)- réalisée sur prélèvement sans culture cellulaire   | Sang sur héparine de sodium² | <1an: minimum 1 ml et >1an:5-10 ml | 1 semaine (urgent)3 semaines(non-urgent) | CD | PC | JL | ADL | YS | NR | 565110 / 565121 565132 / 565143588475 / 588486 588453 / 588464588431/588442 |
| Moelle osseuse sur héparine de sodium² | minimum 3 ml |
| Liquide de ponction (ascite, liquide pleural, liquide céphalorachidien …) | pas de limite (en fonction de la cellularité) |
| Ganglion/masse/biopsie… avec milieu de transport (RPMI 1640) | minimum 1 cm³ |
| liquide de ponction (ascite, liquide pleural, liquide céphalorachidien…) à partir duquel un cytospin est réalisé | pas de limite (en fonction de la cellularité) |
| appositions tissulaires sur lame à partir d'un(e) ganglion/masse/biopsie... | 3 lames minimum |
| Moelle osseuse à partir de laquelle un tri cellulaire CD138+ peut être réalisé (contexte de myélome ; taux de plasmocytes anarchiques > 10 %) | minimum 3ml (fonction de la cellularité du prélèvement) |
| **caryotype moléculaire** - réalisé sur prélèvement total, suivant la pathologie (au diagnostic ou à la rechute) : LLA-B/T, LLC et Myélome     | Sang sur EDTA (ou héparine) | <1an: minimum 2 ml et >1an:5-10 ml | 3 semaines(urgent)8 semaines(non-urgent) | PC | JL |  | ADL | YS | NR | 565154 / 565165587871/587882 |
| Moelle osseuse sur EDTA (ou héparine) | minimum 3 ml |
| Liquide de ponction (ascite, liquide pleural, liquide céphalorachidien …) | pas de limite (en fonction de la cellularité) |
| Ganglion/masse/biopsie… avec milieu de transport (RPMI 1640) | 0.3 à 0.5 cm³ |
| Moelle osseuse à partir de laquelle un tri cellulaire CD138+ peut être réalisé (contexte de myélome ; taux de plasmocytes anarchiques > 10 %) | minimum 3ml (fonction de la cellularité du prélèvement) |

|  |
| --- |
| 1 Nature du prélèvement dépendante de l'envahissement par une hémopathie maligne |
| ² héparine de sodium sans conservateur, type héparine Braun |